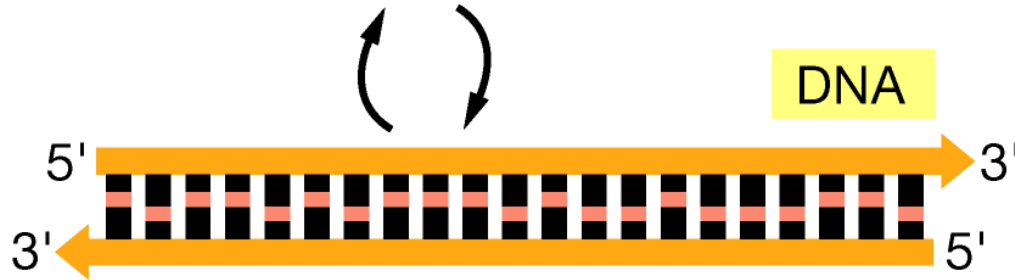


# Dal DNA all'RNA

La trascrizione nei procarioti e negli eucarioti

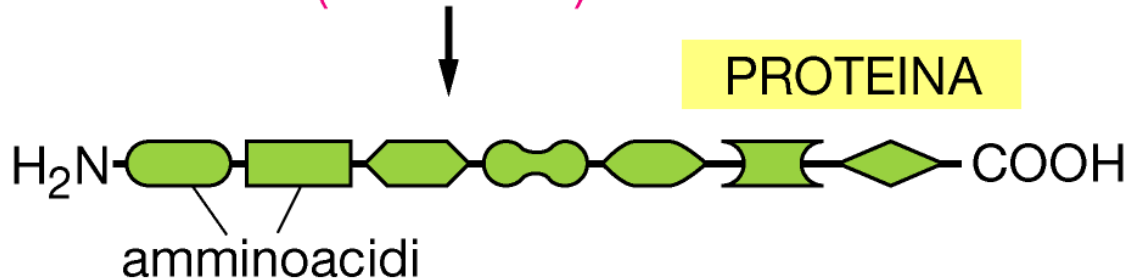
replicazione del DNA  
riparazione del DNA  
ricombinazione genetica



sintesi dell'RNA  
(trascrizione)



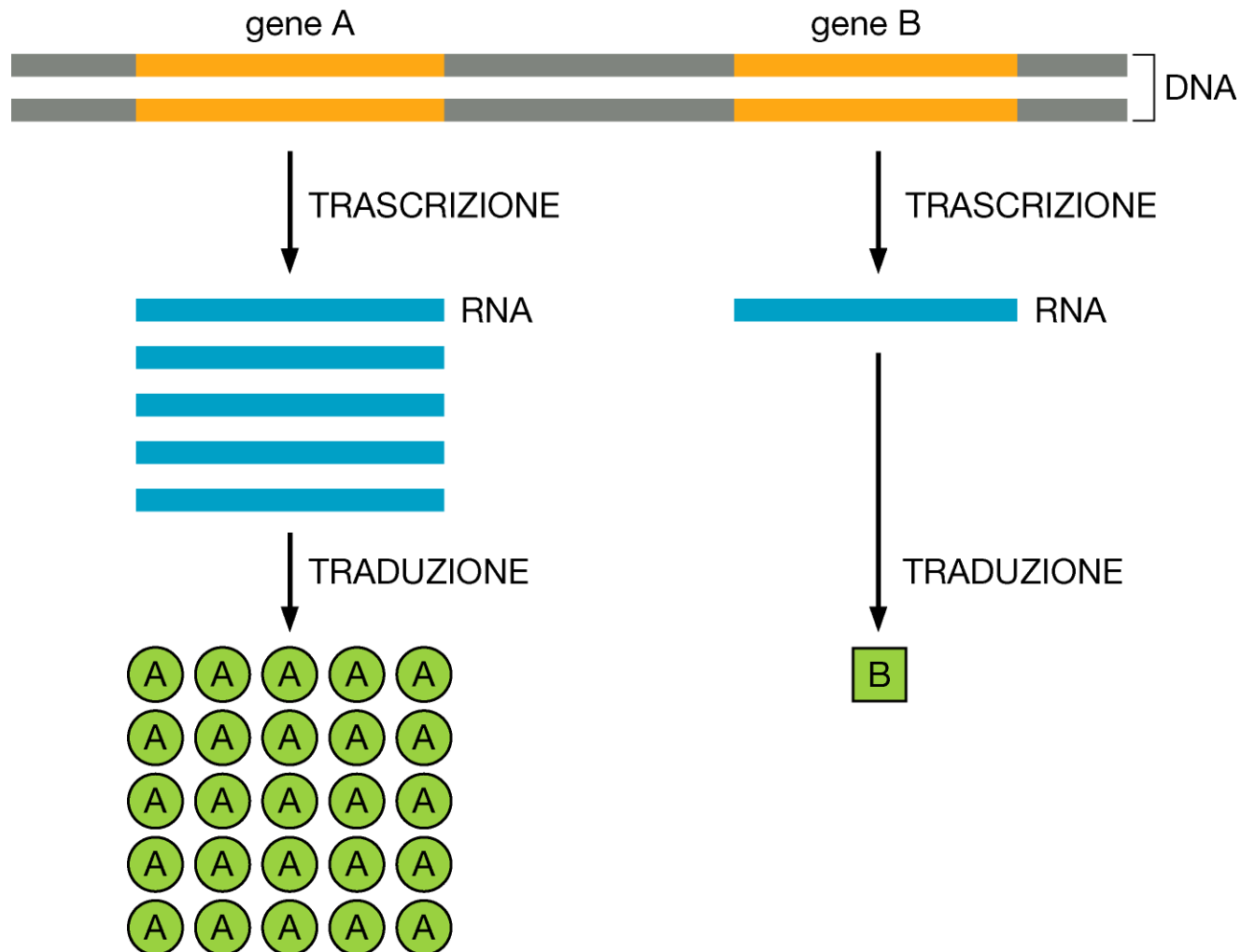
sintesi delle proteine  
(traduzione)

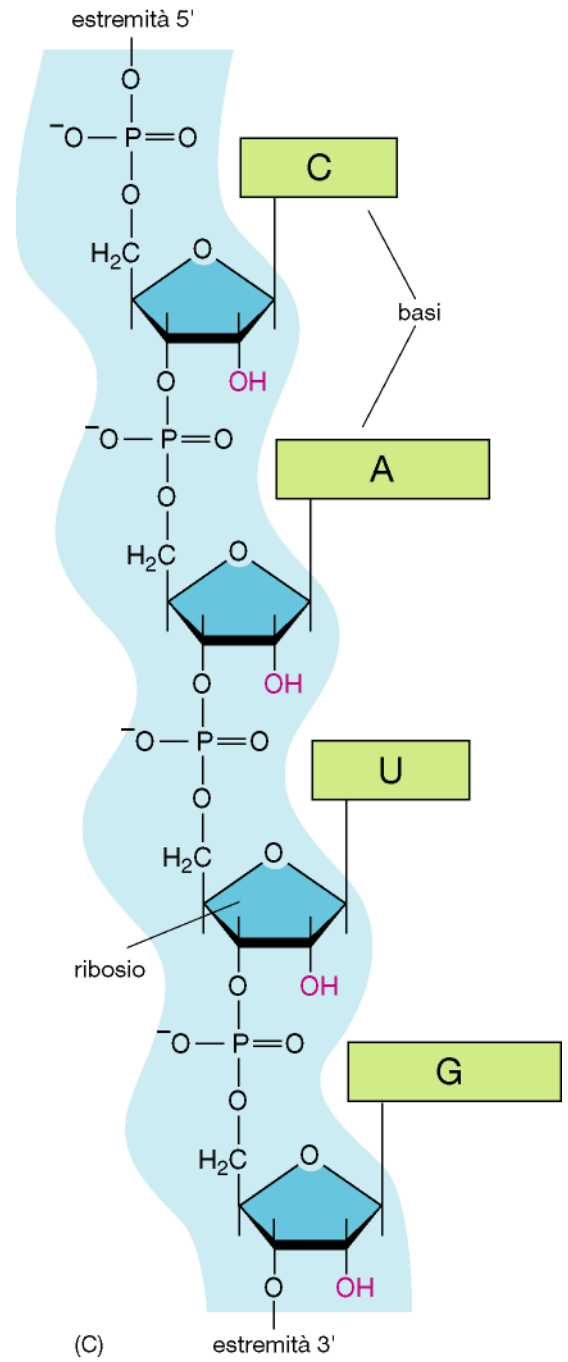
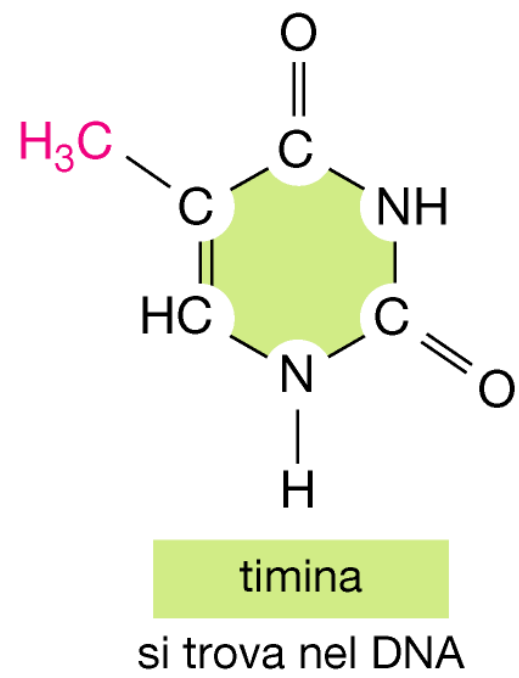
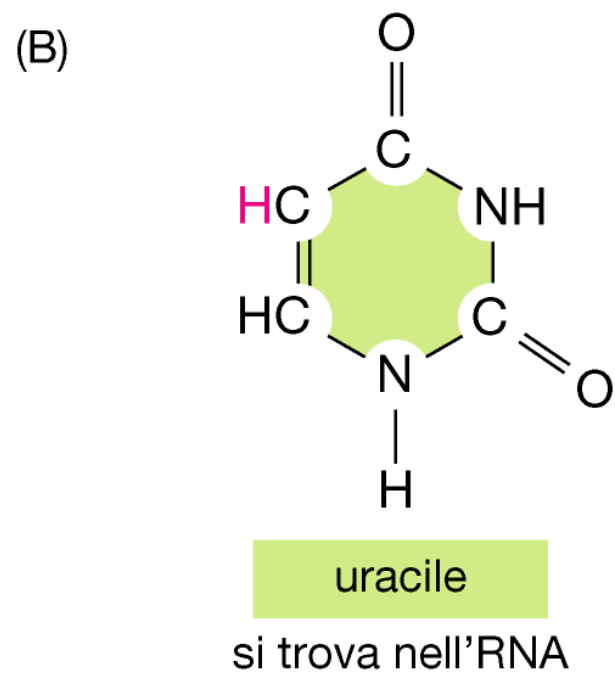
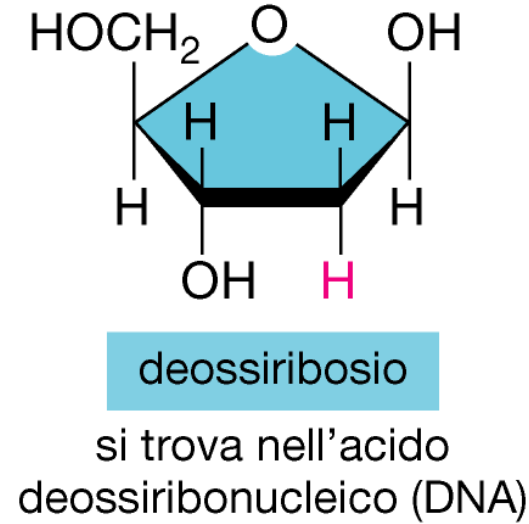
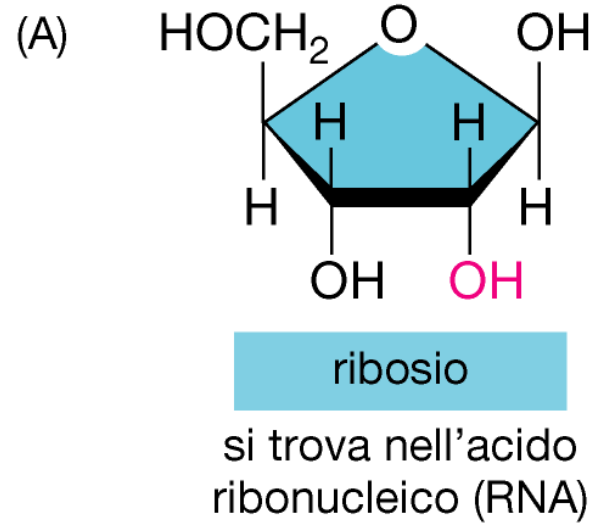


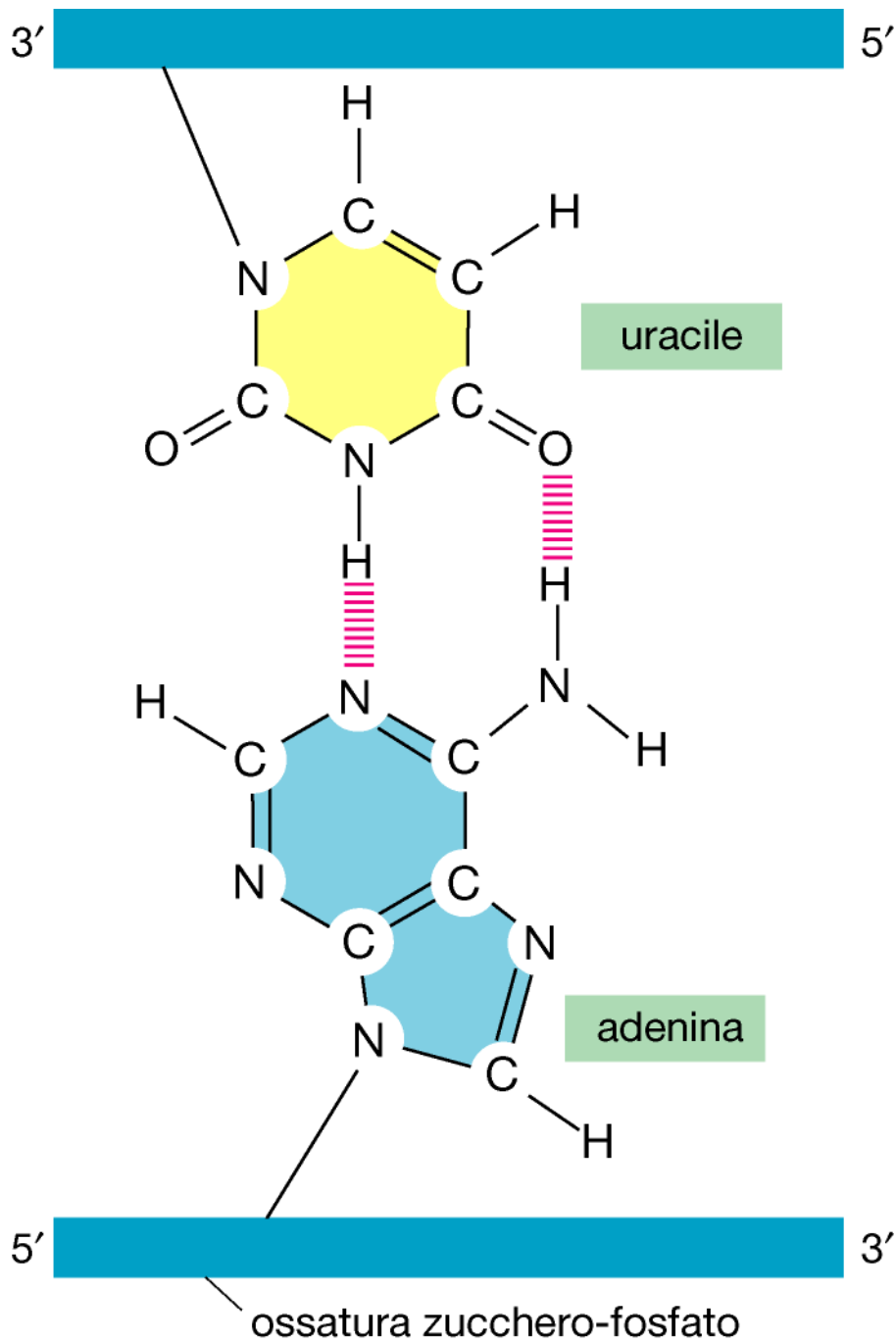
**DOGMA CENTRALE DELLA BIOLOGIA MOLECOLARE**

# Gene

Regione di DNA che porta l'informazione (= che **CODIFICA**) per una catena polipeptidica o per una molecola di RNA



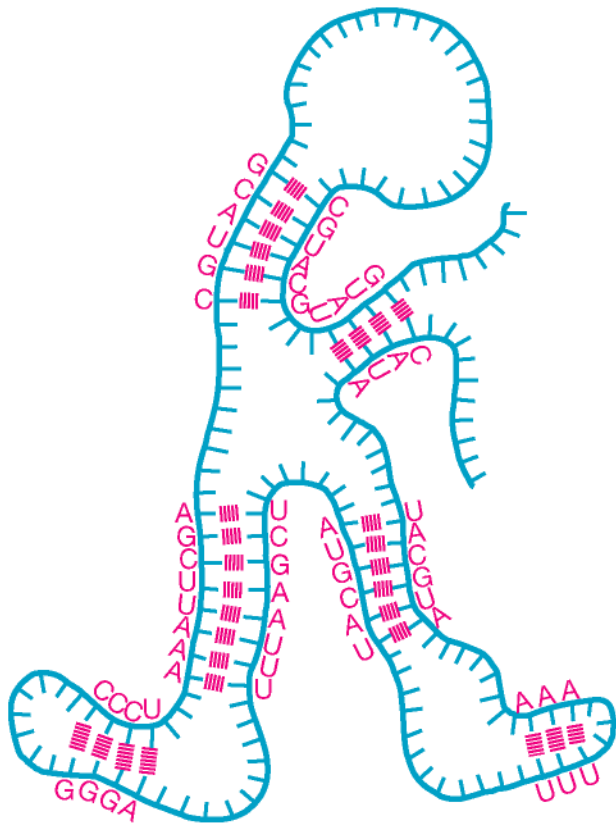




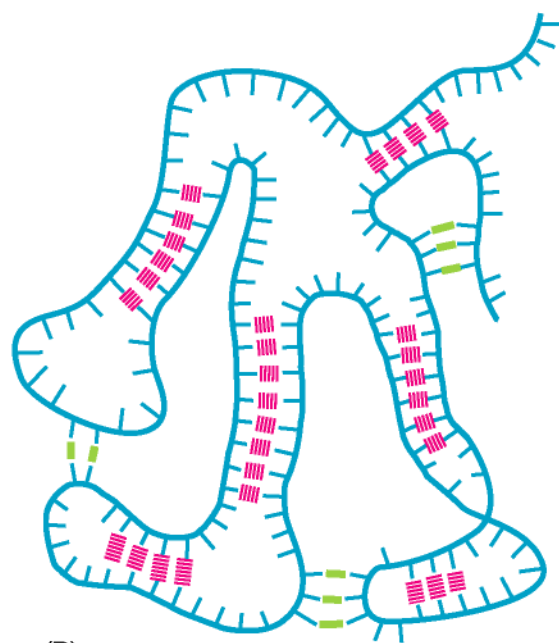
uracile

adenina

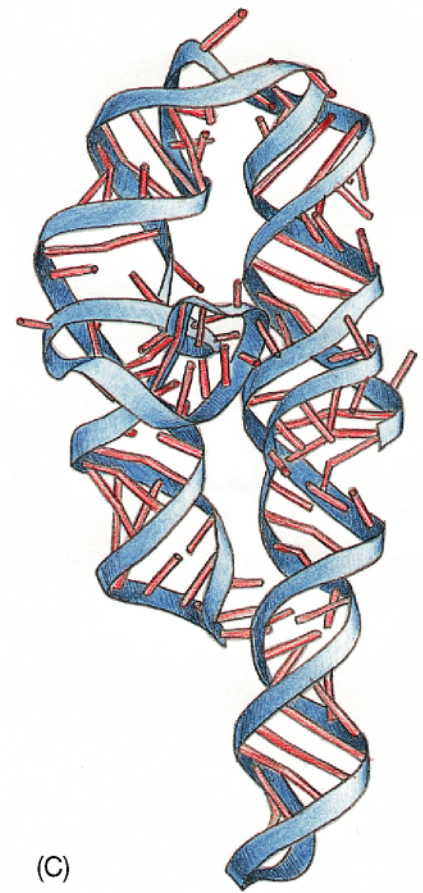
ossatura zucchero-fosfato



(A)

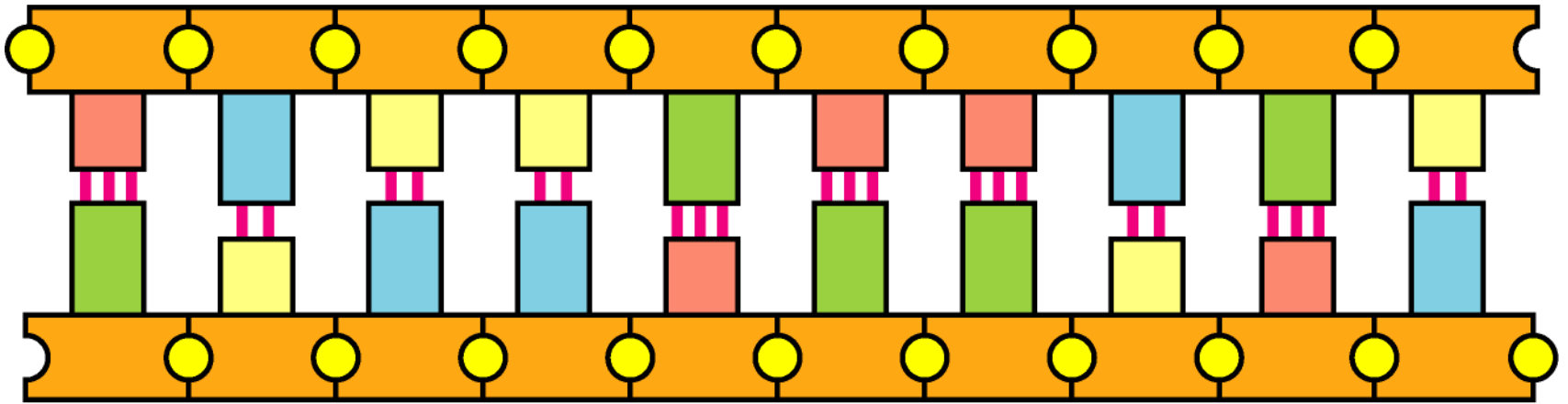


(B)



(C)

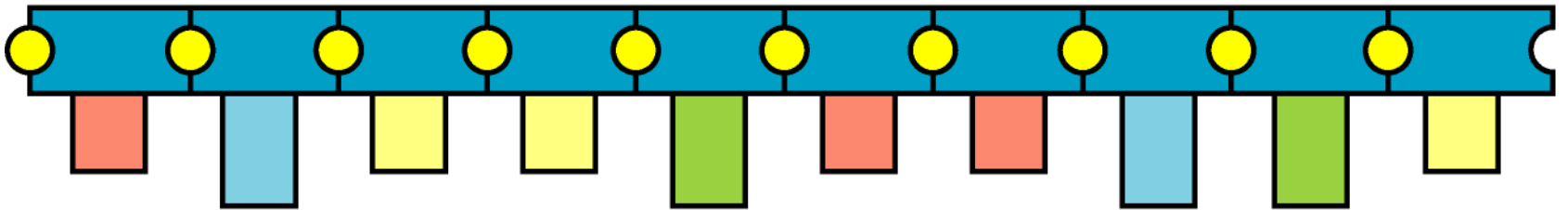
DNA



filamento stampo



TRASCRIZIONE



RNA

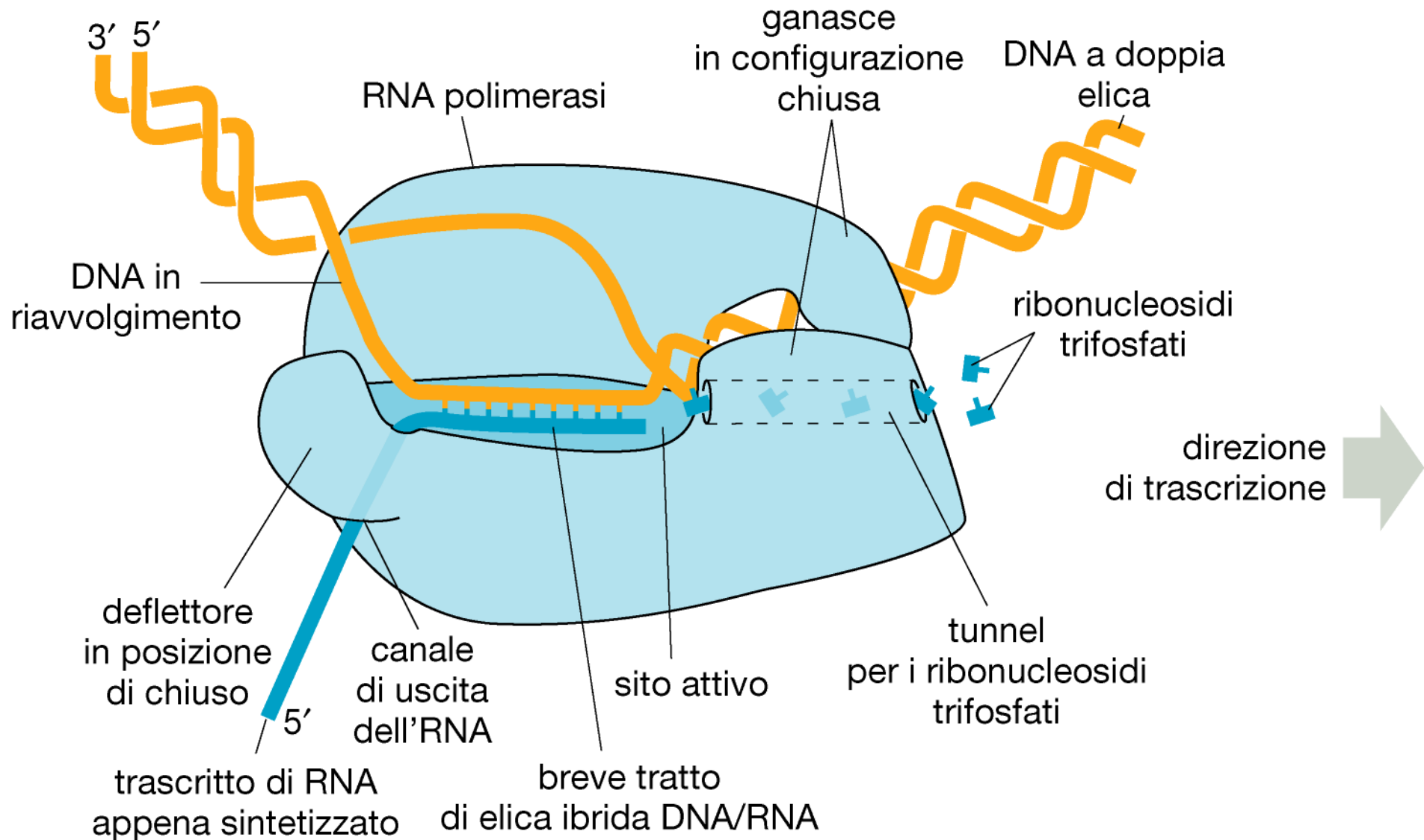
# Principali “tipi” di RNA

RNA messaggero (**mRNA**): porta l'informazione per la sintesi delle proteine

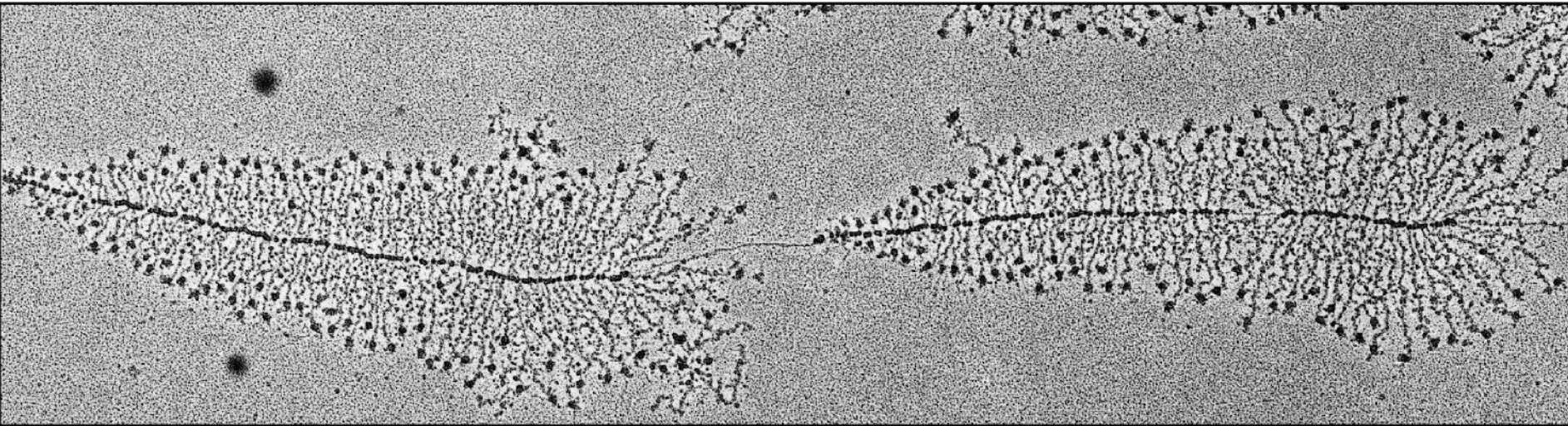
RNA ribosomali (**rRNA**): costituiscono insieme a specifiche proteine i macchinari su cui avviene la sintesi proteica

RNA transfer (**tRNA**): necessari per tradurre l'informazione contenuta nell'mRNA in proteine

# RNA polimerasi



Molte molecole di RNA polimerasi trascrivono  
simultaneamente lo stesso gene



1  $\mu$ m

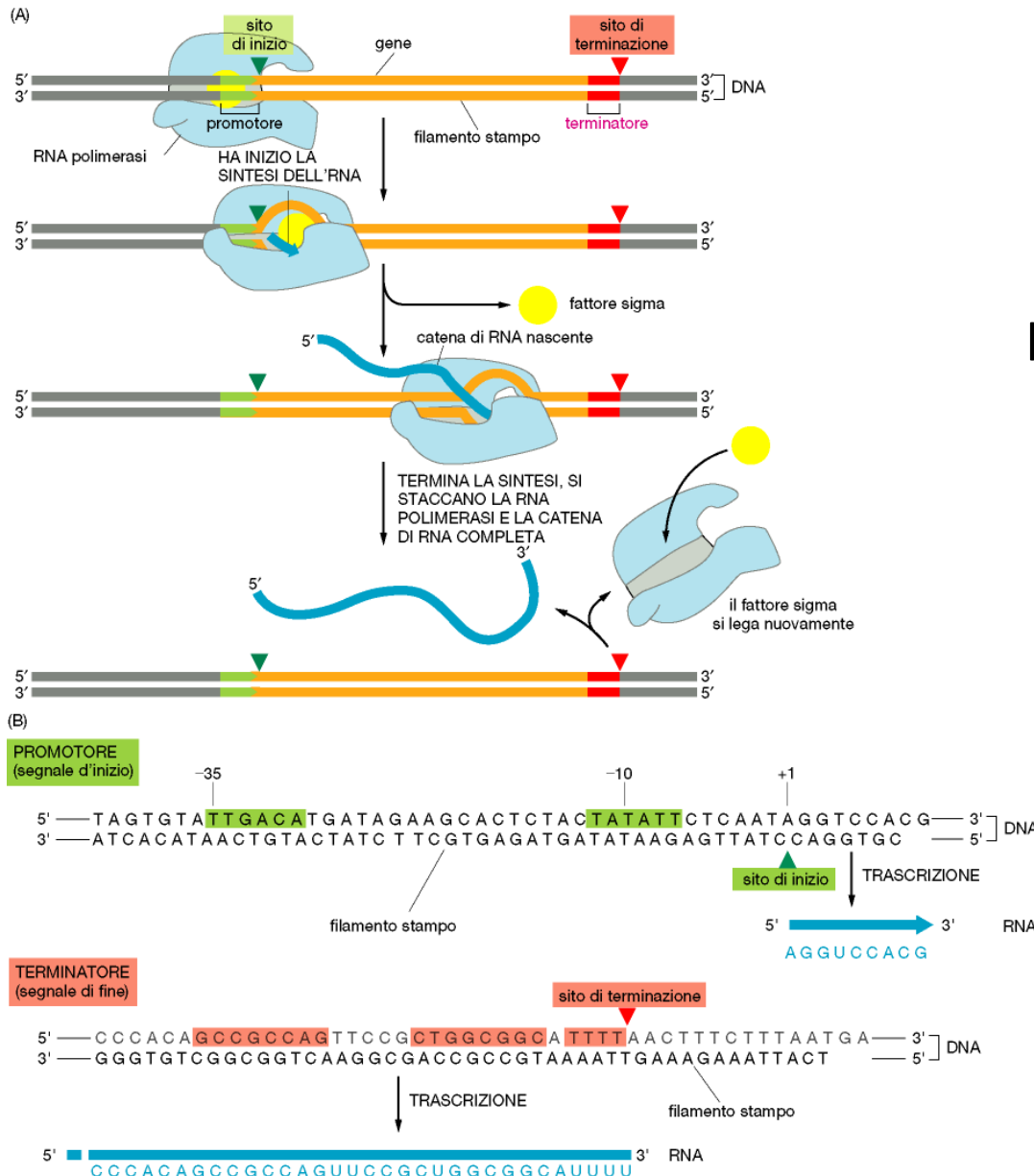
# La trascrizione nei procarioti

# Appositi segnali sul DNA indicano alla RNA polimerasi dove cominciare e dove finire

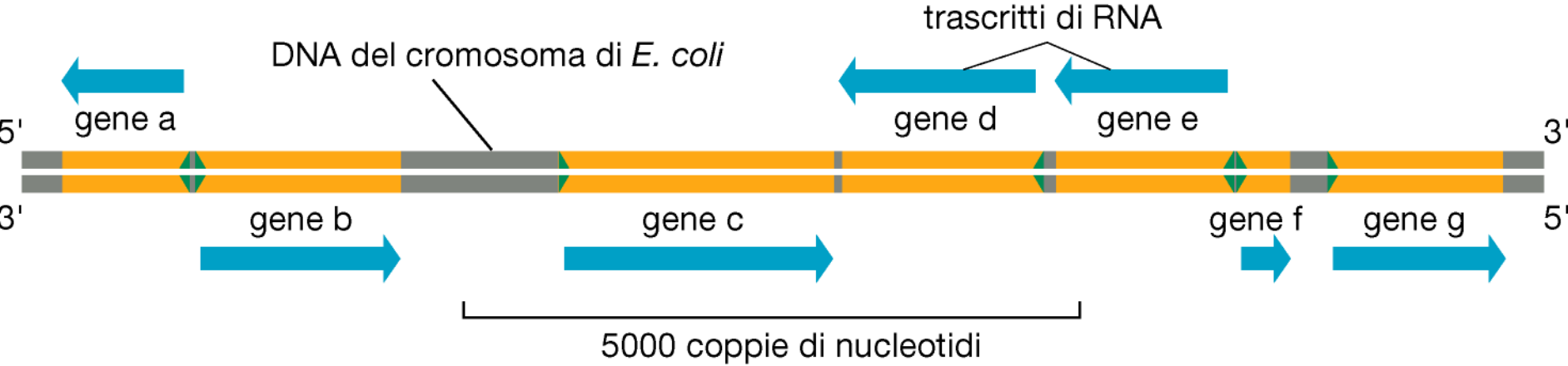
Nei batteri la RNA polimerasi è associata ad una subunità, detta **fattore sigma**, che riconosce il **PROMOTORE** consentendo l'aggancio della polimerasi al DNA

Il fattore sigma si distacca dalla polimerasi una volta che questa avrà completato un RNA di circa 10 nucleotidi

Raggiunto il sito di terminazione la polimerasi si distacca e può nuovamente associarsi con un fattore sigma



# La direzione di trascrizione può variare da gene a gene



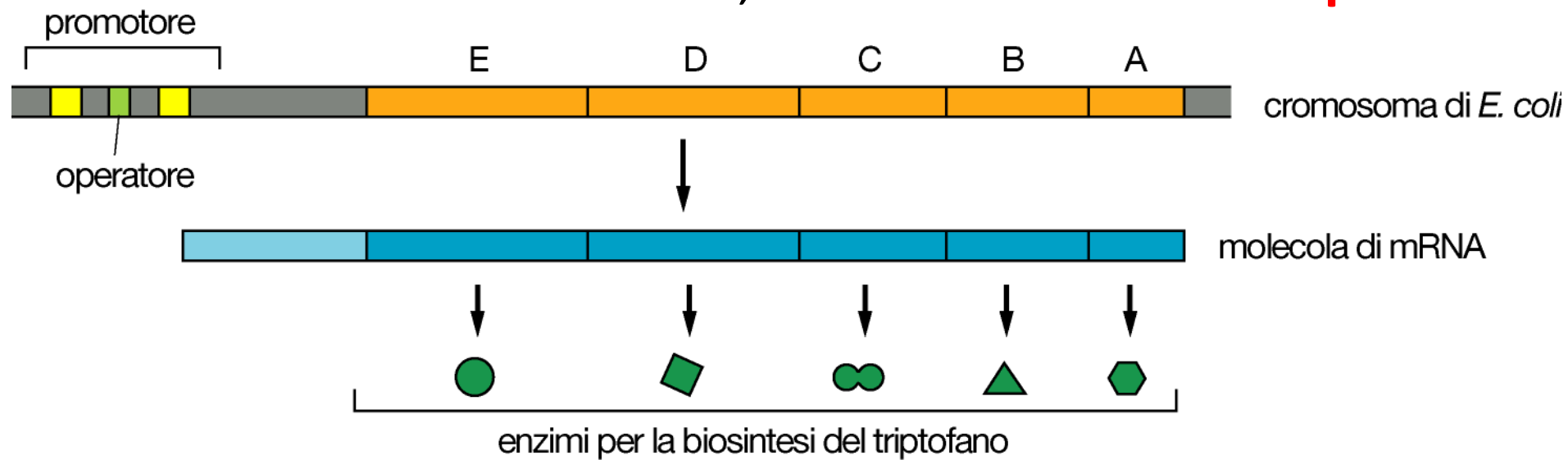
# Regolazione della trascrizione

Oltre al promotore esistono **sequenze regolatrici del DNA** per “accendere e spegnere” i geni

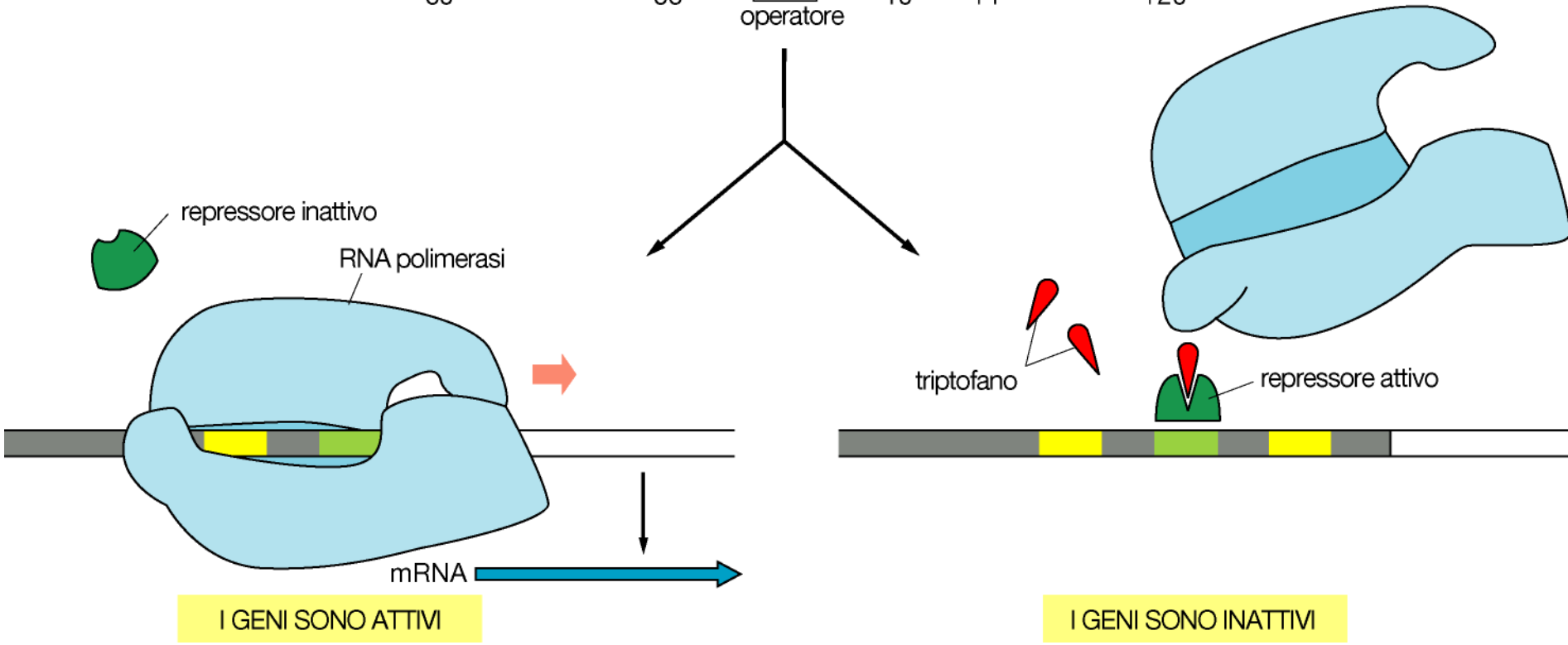
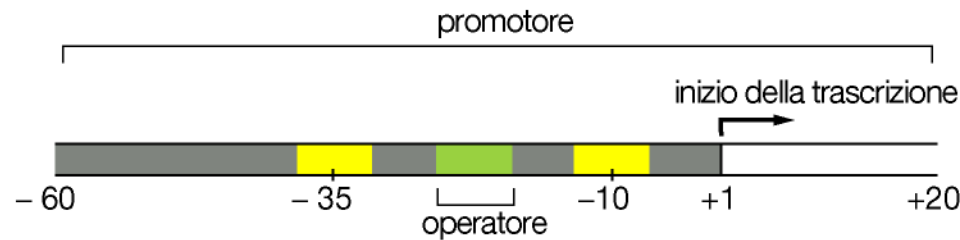
Le sequenze regolatrici non agiscono da sole ma sono efficaci se riconosciute dalle **proteine regolatrici dei geni**

Le proteine regolatrici dei geni possono agire come **repressori** o come **attivatori** dei geni

Nei batteri esistono geni espressi in modo coordinato, trascritti in un unico mRNA, che costituiscono un **operone**

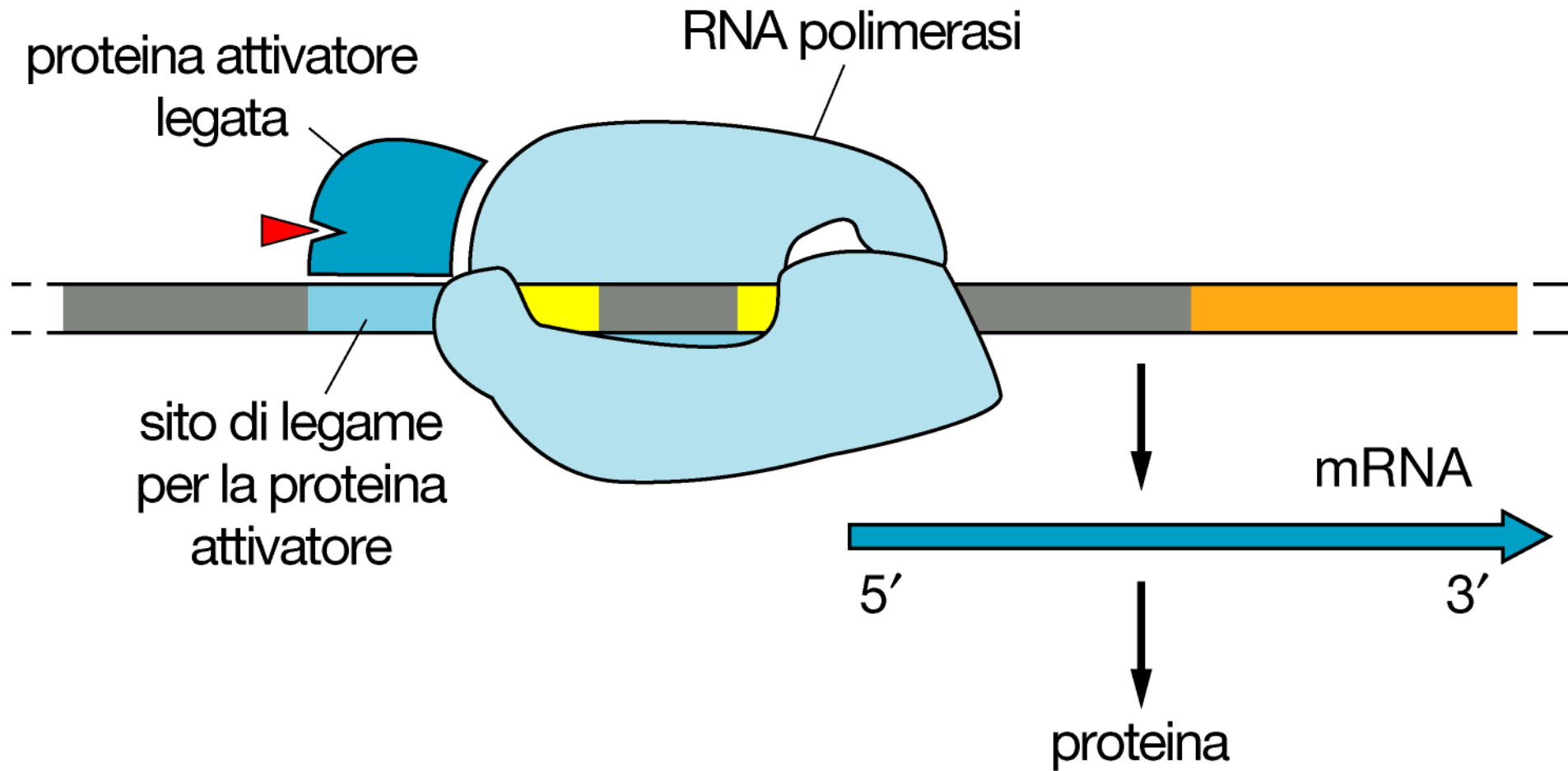


# I geni si possono attivare e disattivare tramite appositi repressori ...

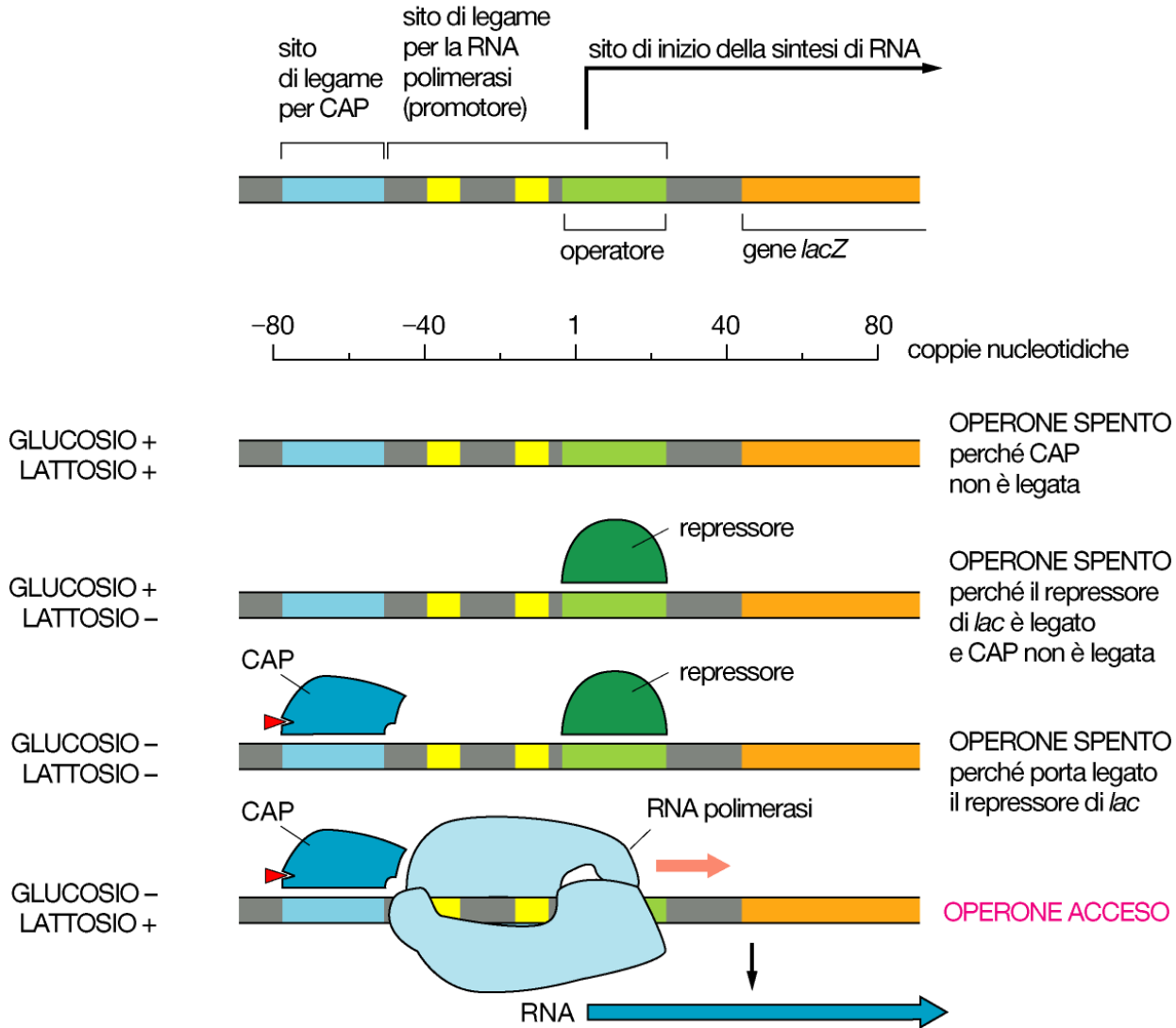


**Operone triptofano:** geni che codificano per enzimi necessari alla sintesi dell'amminoacido triptofano

oppure tramite **attivatori** ...



oppure sia con **attivatori** che con **repressori**



**Operone *lac*:** codifica proteine necessarie per importare e digerire il lattosio

# La trascrizione negli eucarioti

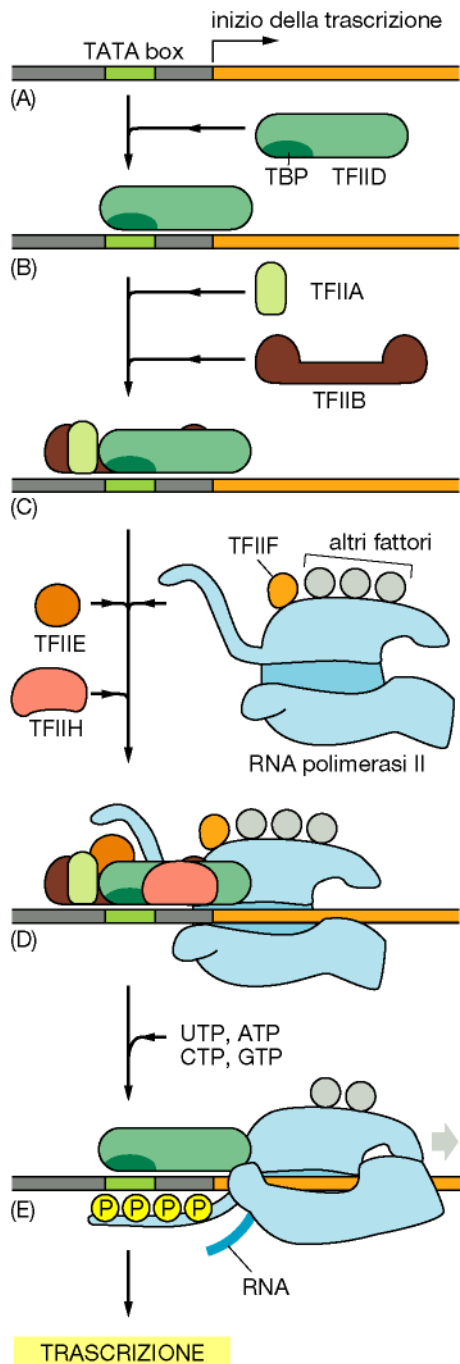
Le cellule eucariotiche hanno tre diverse **RNA polimerasi**:  
**I** (rRNA più grandi)- **II** (mRNA e molti piccoli RNA)- **III** (tRNA ed altri piccoli RNA)

I geni che codificano per **proteine** sono tutti trascritti dalla **RNA polimerasi II** (in RNA messaggeri, mRNA)

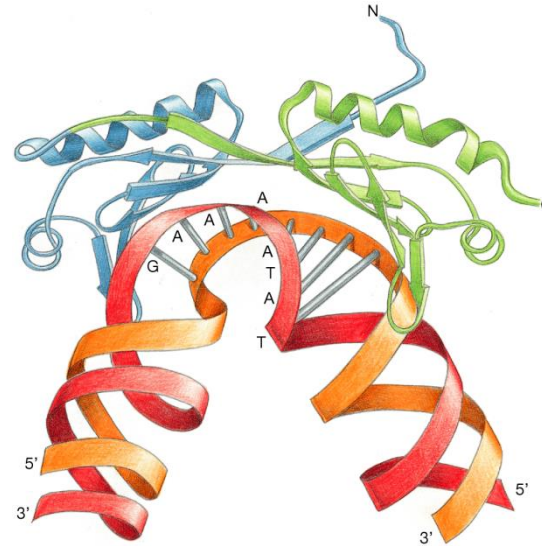
Le polimerasi eucariotiche, per poter cominciare a trascrivere hanno bisogno di **fattori generici di trascrizione**, che si legano con le polimerasi alle regioni promotrici

Le **proteine regolatrici dei geni** (repressori o attivatori) possono influenzare l'inizio della trascrizione pur essendo legate al DNA in posizione molto distante dal promotore

L'**inizio della trascrizione** negli eucarioti è necessariamente influenzata dall'organizzazione del DNA in **nucleosomi**, ovvero dalla compattezza della cromatina



Il fattore generico **TFIID** si lega ad una breve sequenza di DNA a doppio filamento ricca in T ed A (**TATA box**), posizionata circa 25 nucleotidi a monte del sito di inizio della trascrizione

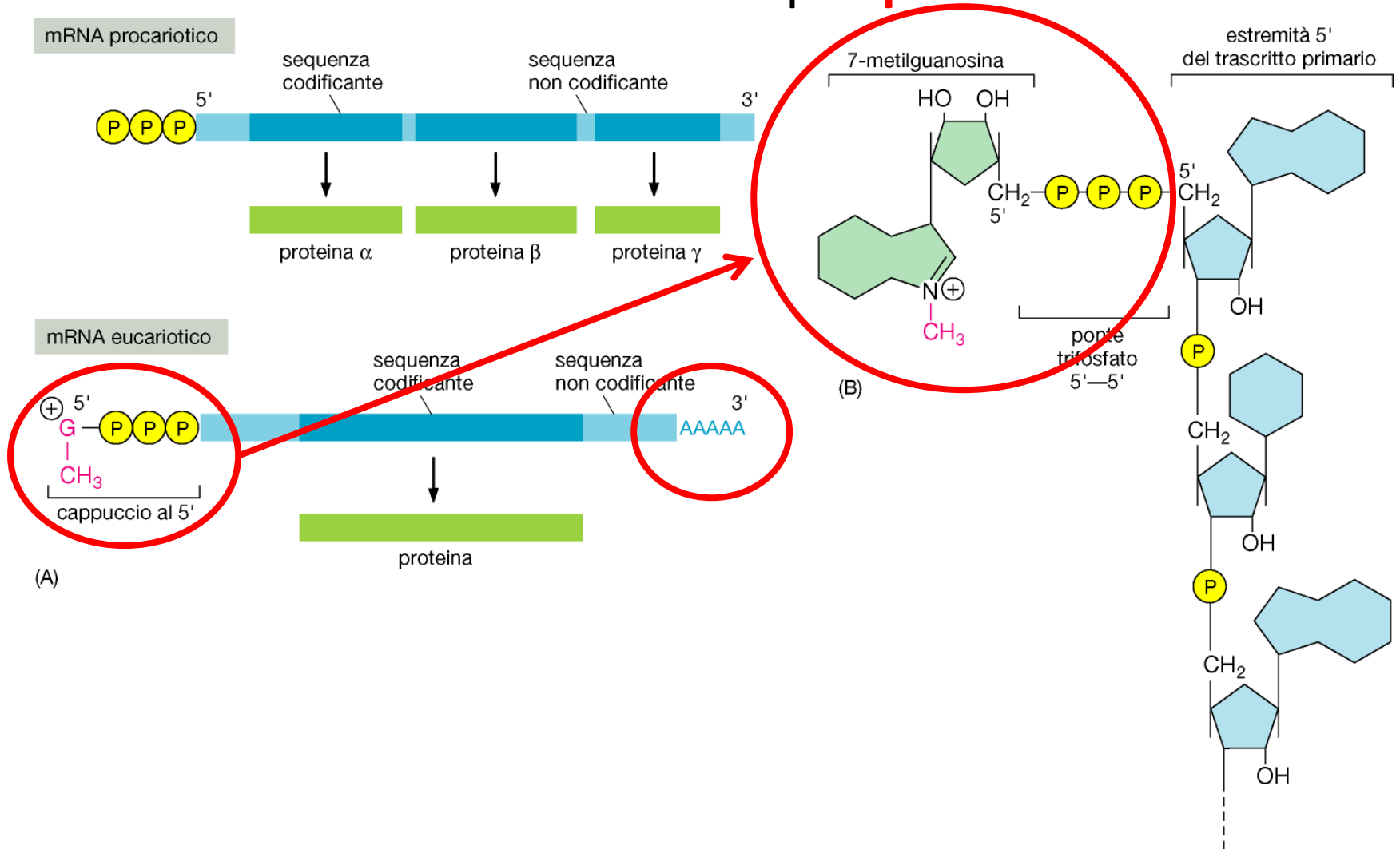


Quindi anche altri fattori si associano e la RNA polimerasi II, formando così il **complesso di inizio della trascrizione**

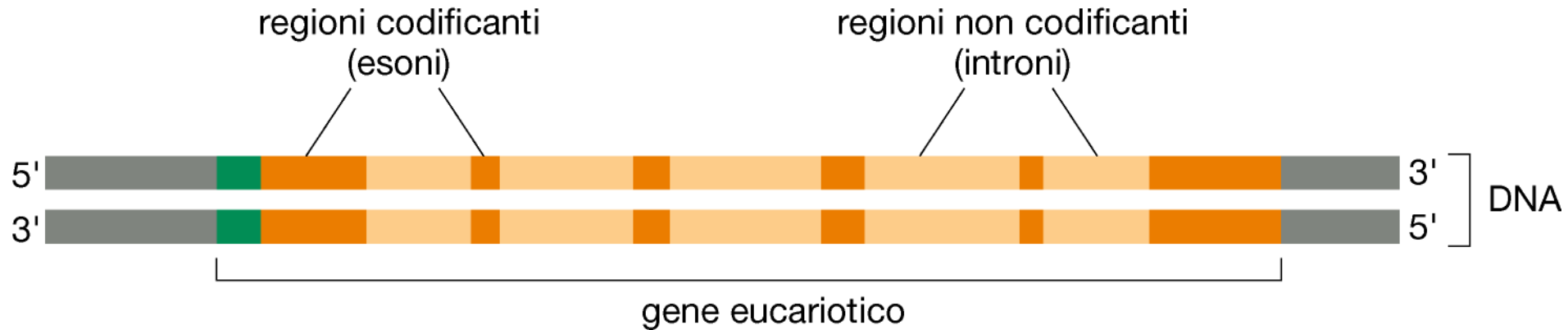
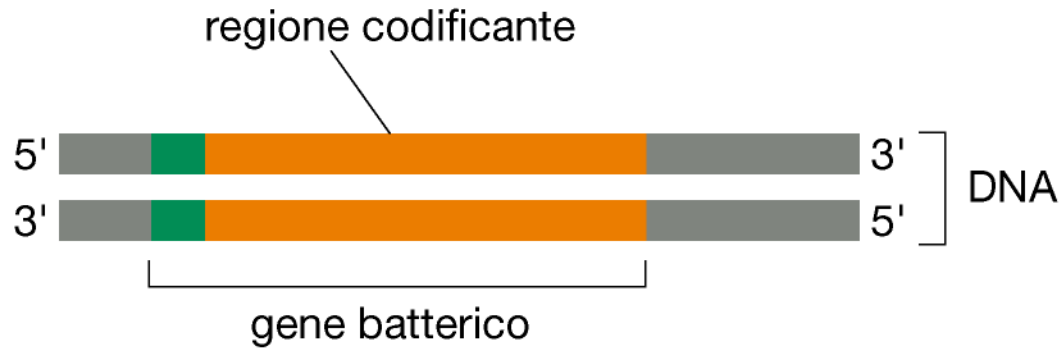
Il fattore generico di trascrizione **TFIIH** catalizza l'apporto di gruppi fosfato alla RNA polimerasi che può così sganciarsi dall'insieme dei fattori di trascrizione ed avviare la **trascrizione** vera e propria

Gli **RNA** eucariotici sono trascritti nel nucleo dove subiscono anche un processo di **maturazione** (processing)

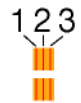
Gli mRNA vengono dotati di un **cappuccio** (capping) all'estremità 5' e di una "coda" per **poliadenilazione** al 3'



# I geni eucariotici sono interrotti da sequenze non codificanti



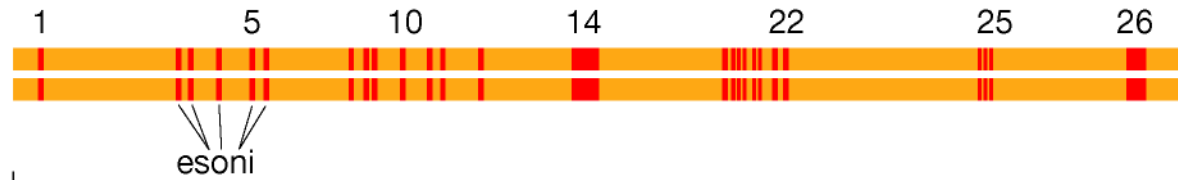
gene per la globina  $\beta$  umana



2000

(A) coppie di nucleotidi

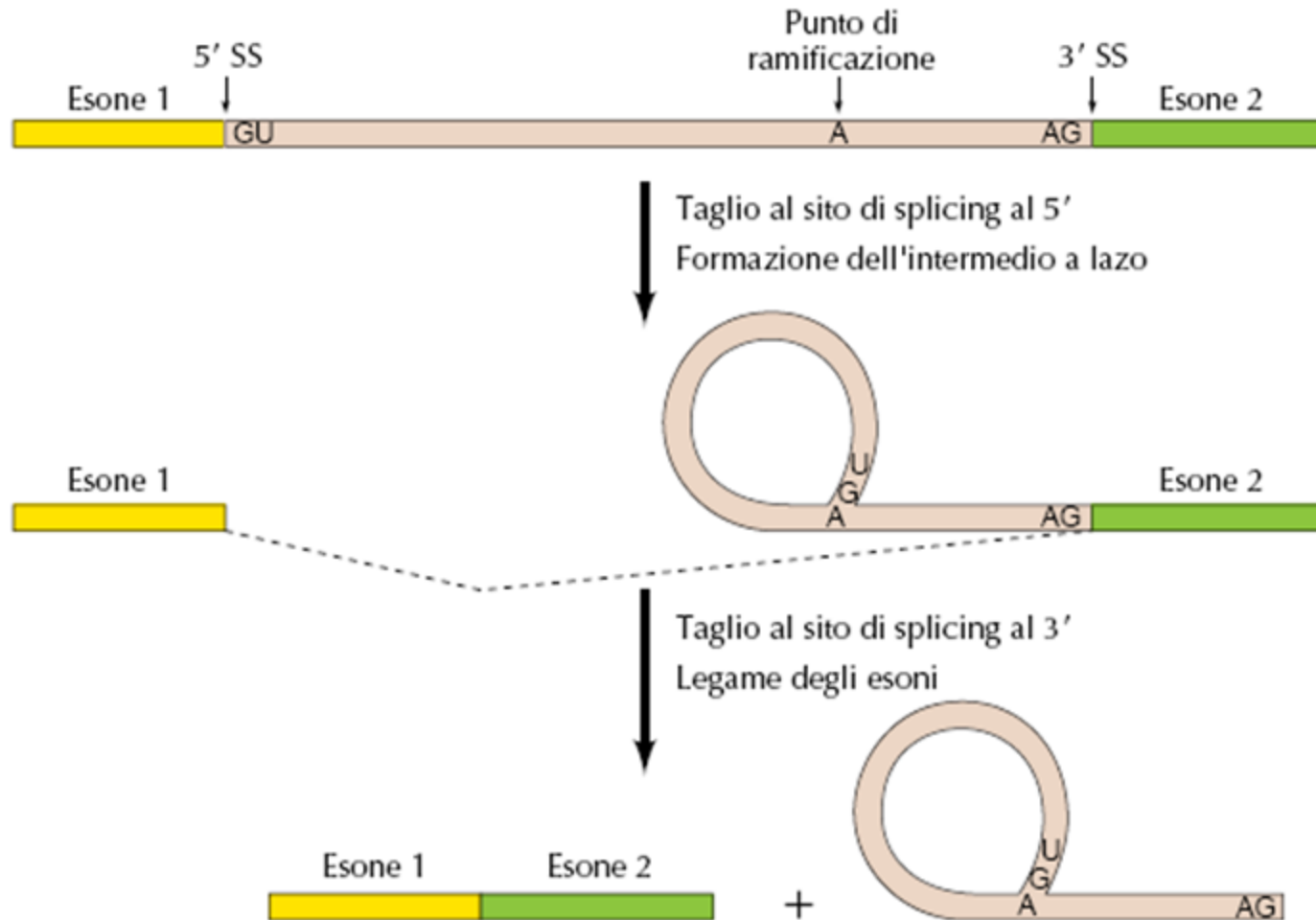
gene per il Fattore VIII umano

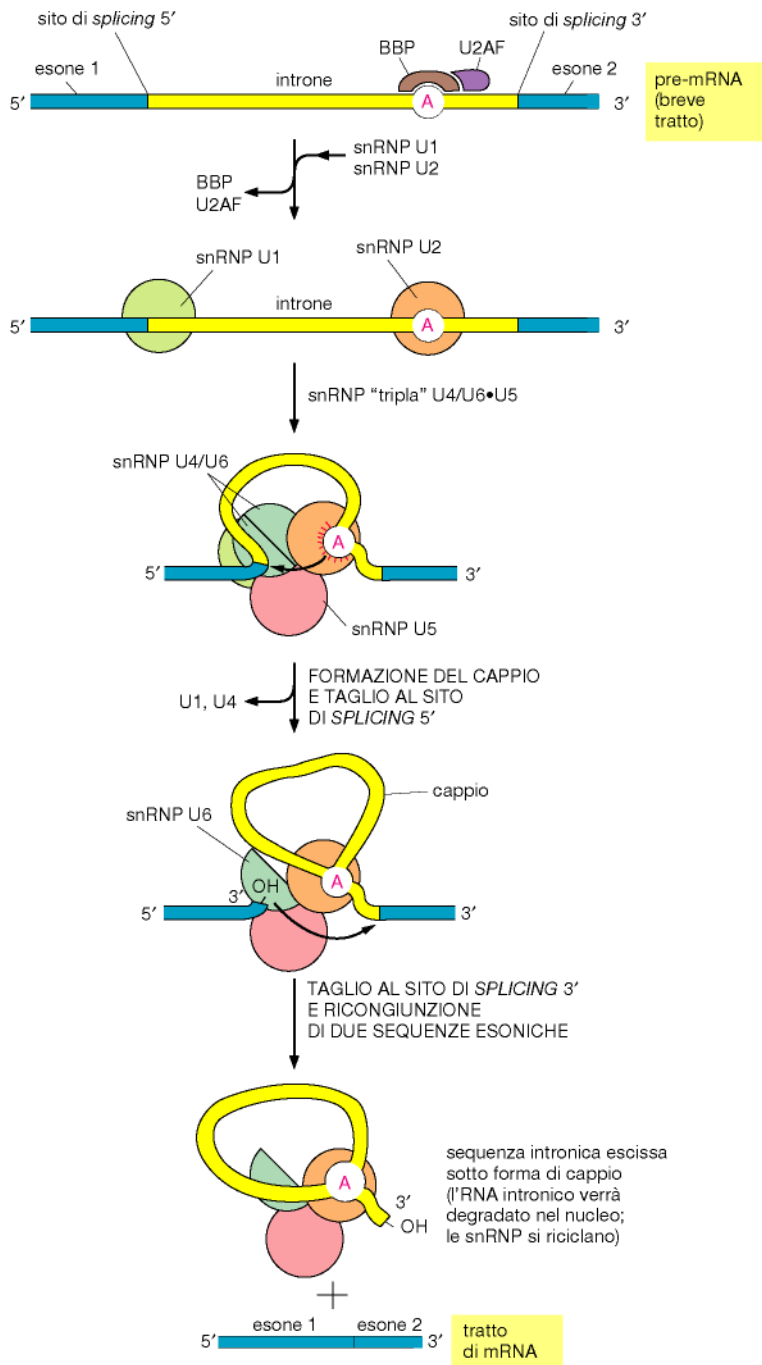


200 000 coppie di nucleotidi

(B)

# Gli introni vengono rimossi dall'RNA con tagli e saldature (**splicing**)

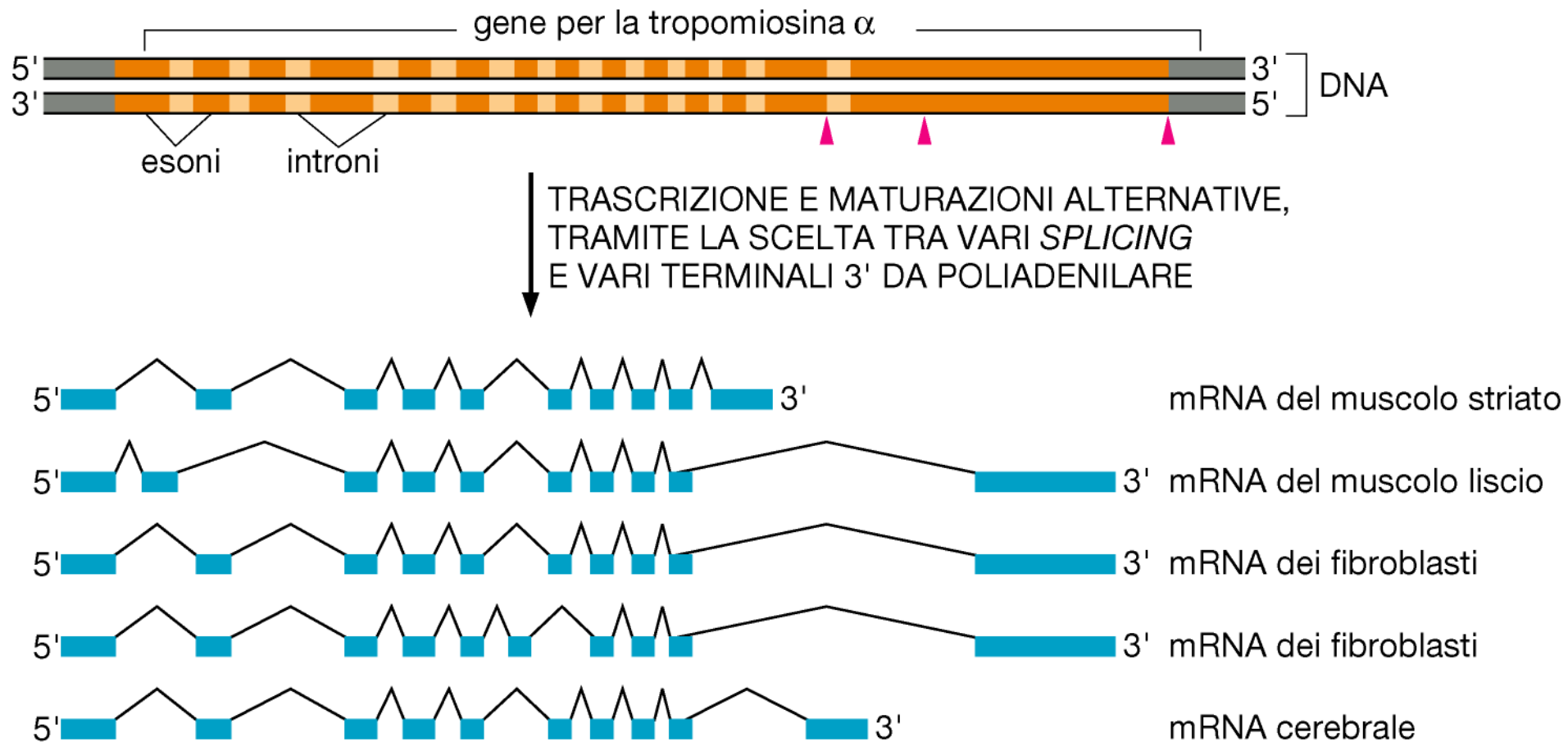




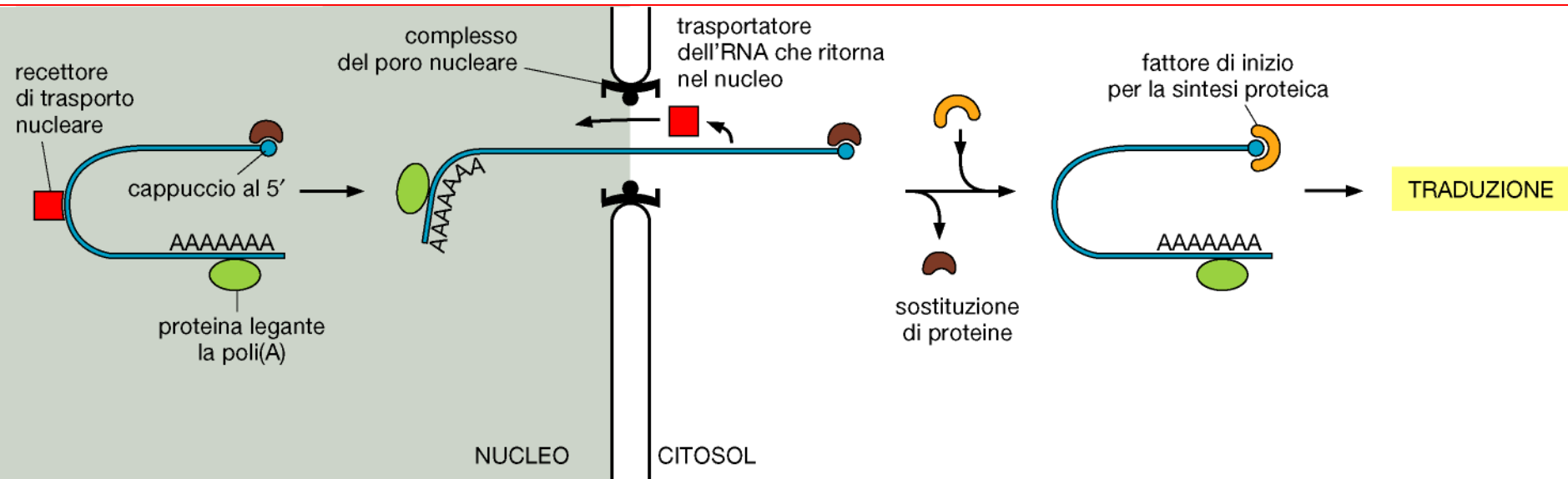
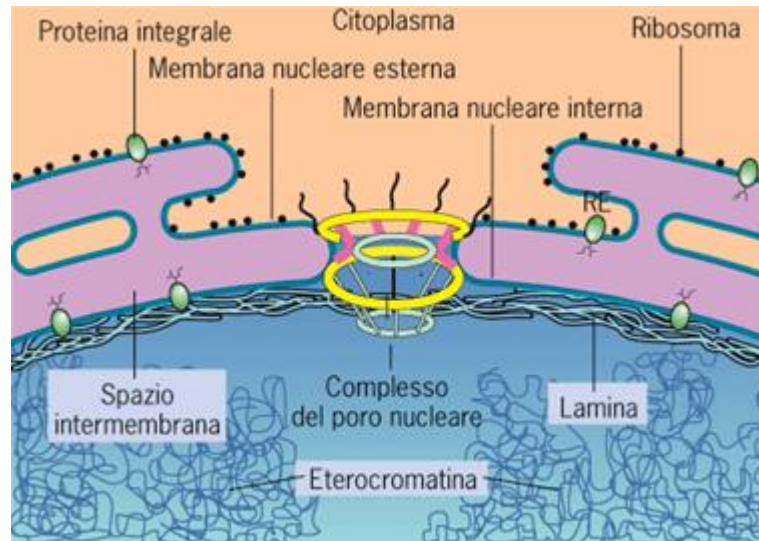
Piccoli RNA nucleari (**snRNA**) individuano il confine tra introni ed esoni, legano proteine per formare particelle ribonucleoproteiche nucleari piccole (**snRNP**)

Gli snRNP formano il corpo centrale dello **spliceosoma**, che provvede a tagliare gli introni e ricucire gli esoni

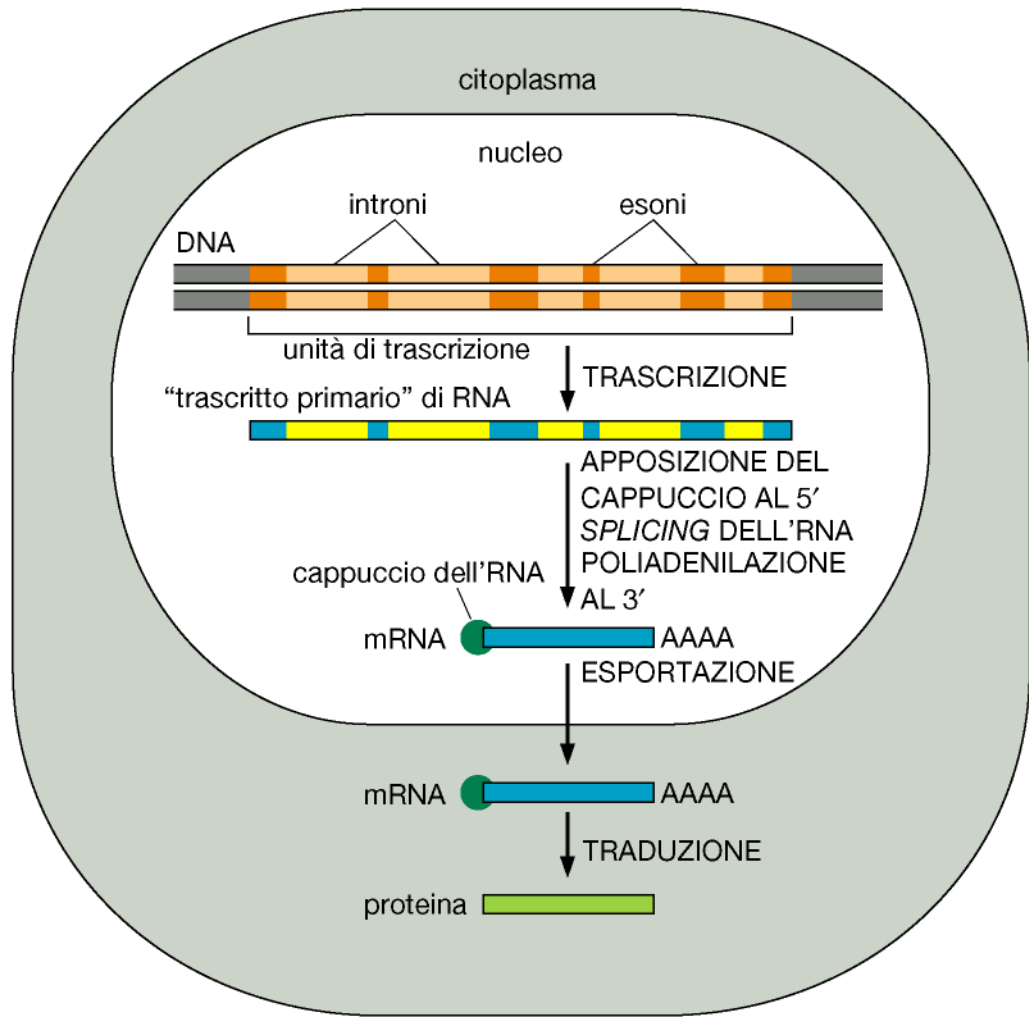
# Splicing alternativo possono generare prodotti diversi di trascrizione a partire da uno stesso gene



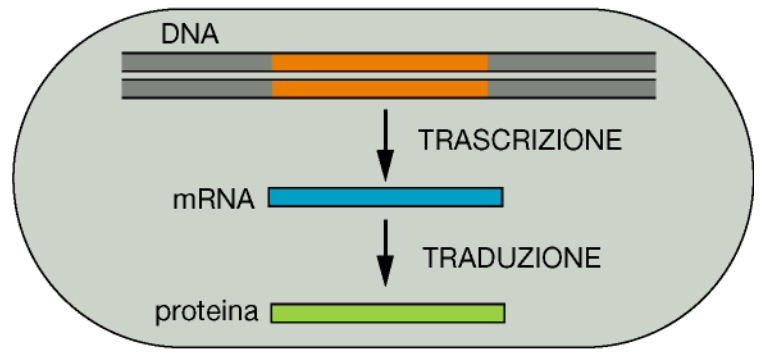
# Gli mRNA eucariotici maturi vengono esportati selettivamente dal nucleo



(A) EUCARIOTI

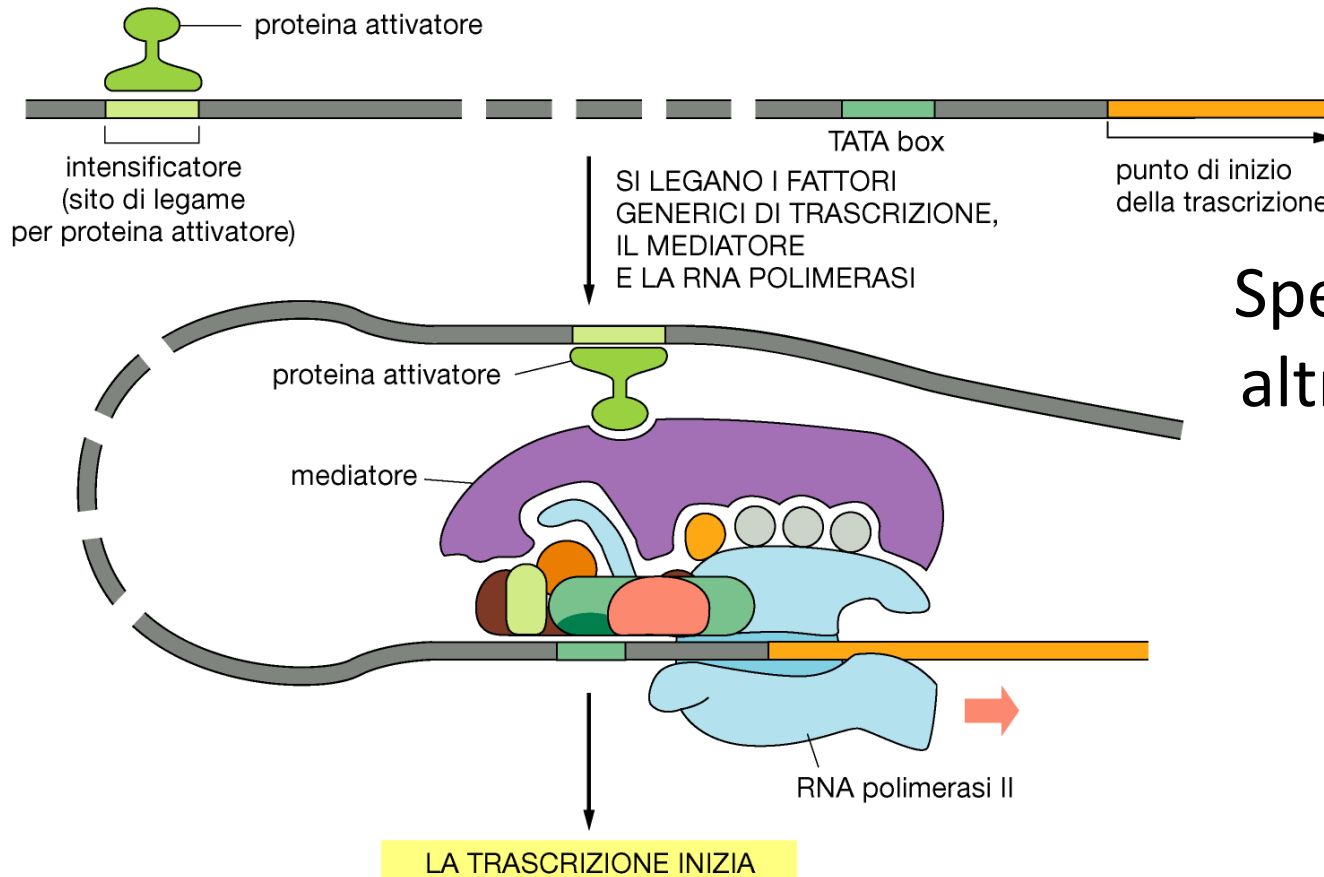


(B) PROCARIOTI



In vitro la RNA polimerasi, associata ai suoi fattori generici, dà inizio alla trascrizione ma nella cellula quasi tutti i promotori eucariotici richiedono anche **attivatori** per promuovere l'attacco della polimerasi e dei fattori di trascrizione al DNA

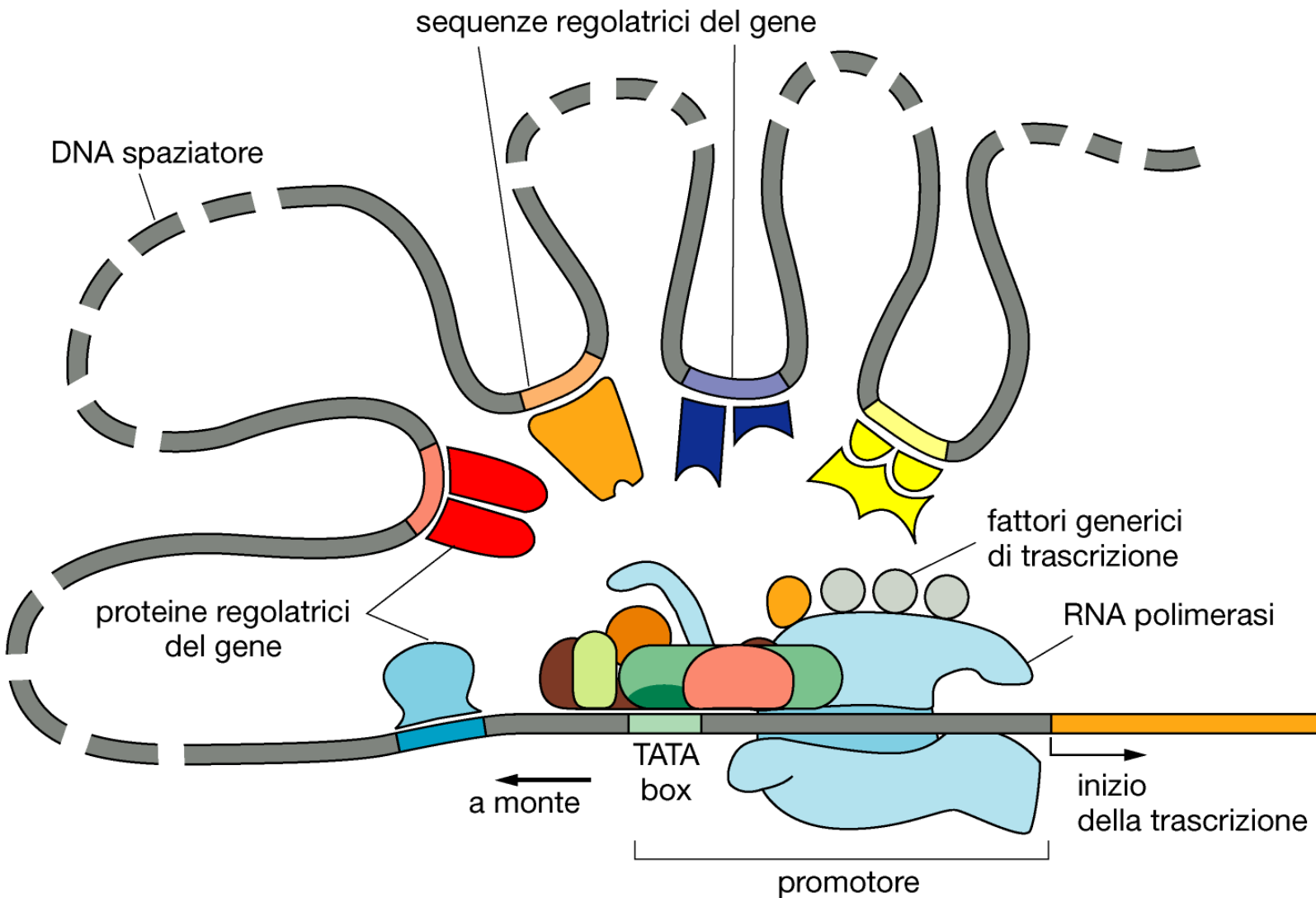
Tali attivatori sono detti **intensificatori** (enhancers)



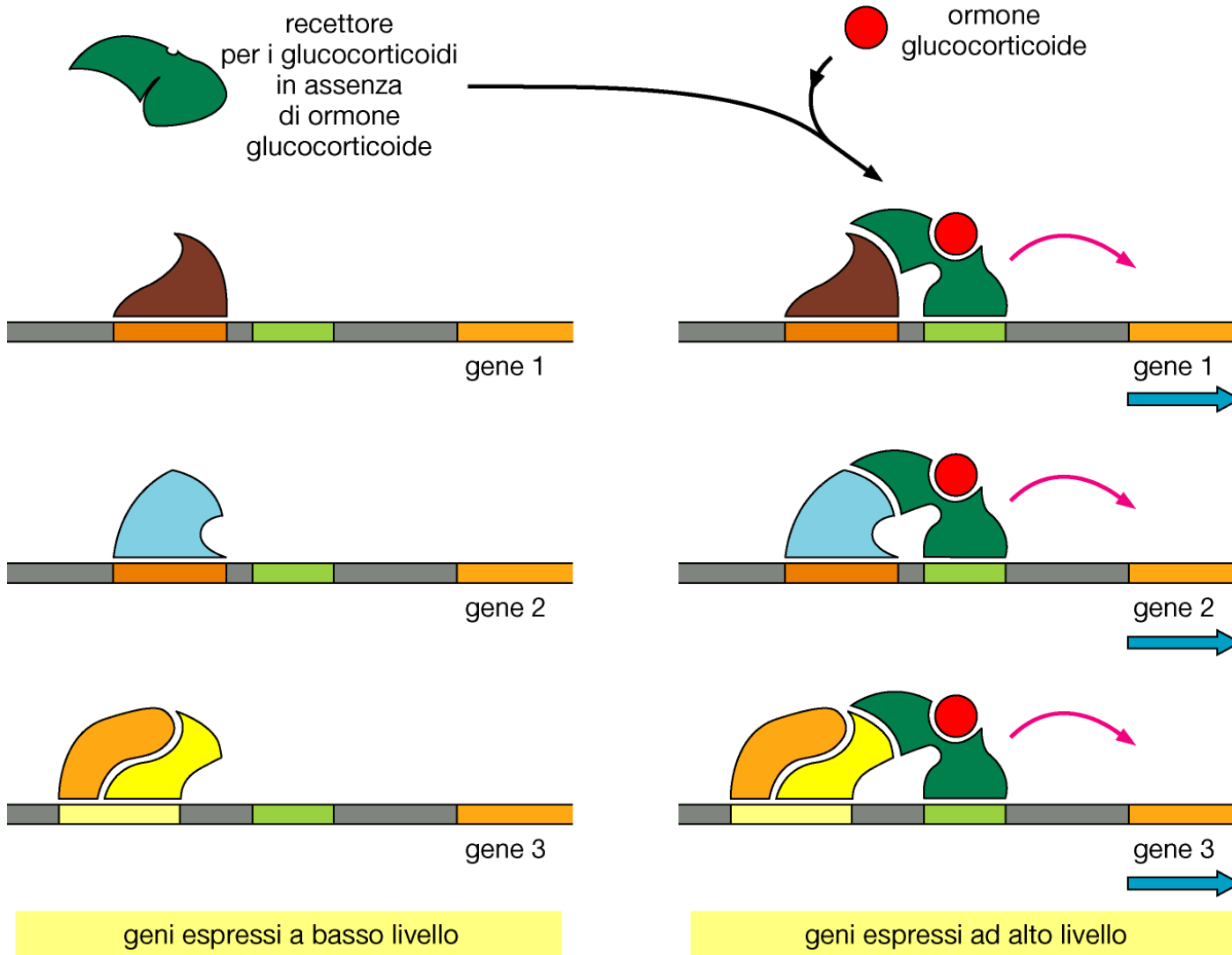
Spesso intervengono altre molecole come il complesso **mediatore**

# Qualcos'altro sulla regolazione della trascrizione

I geni eucariotici sono regolati da combinazioni di proteine  
**(controllo combinatorio)**

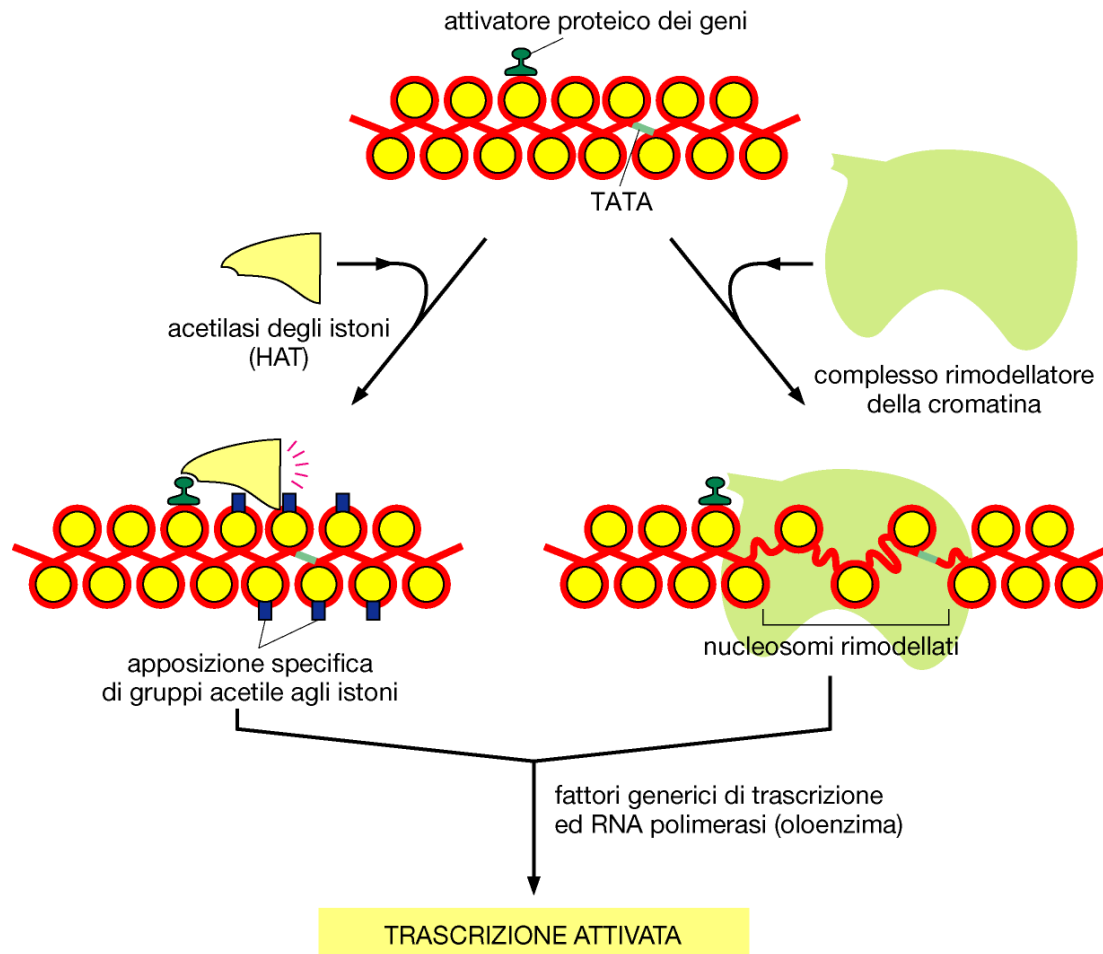


# Una sola proteina può coordinare l'espressione di diversi geni



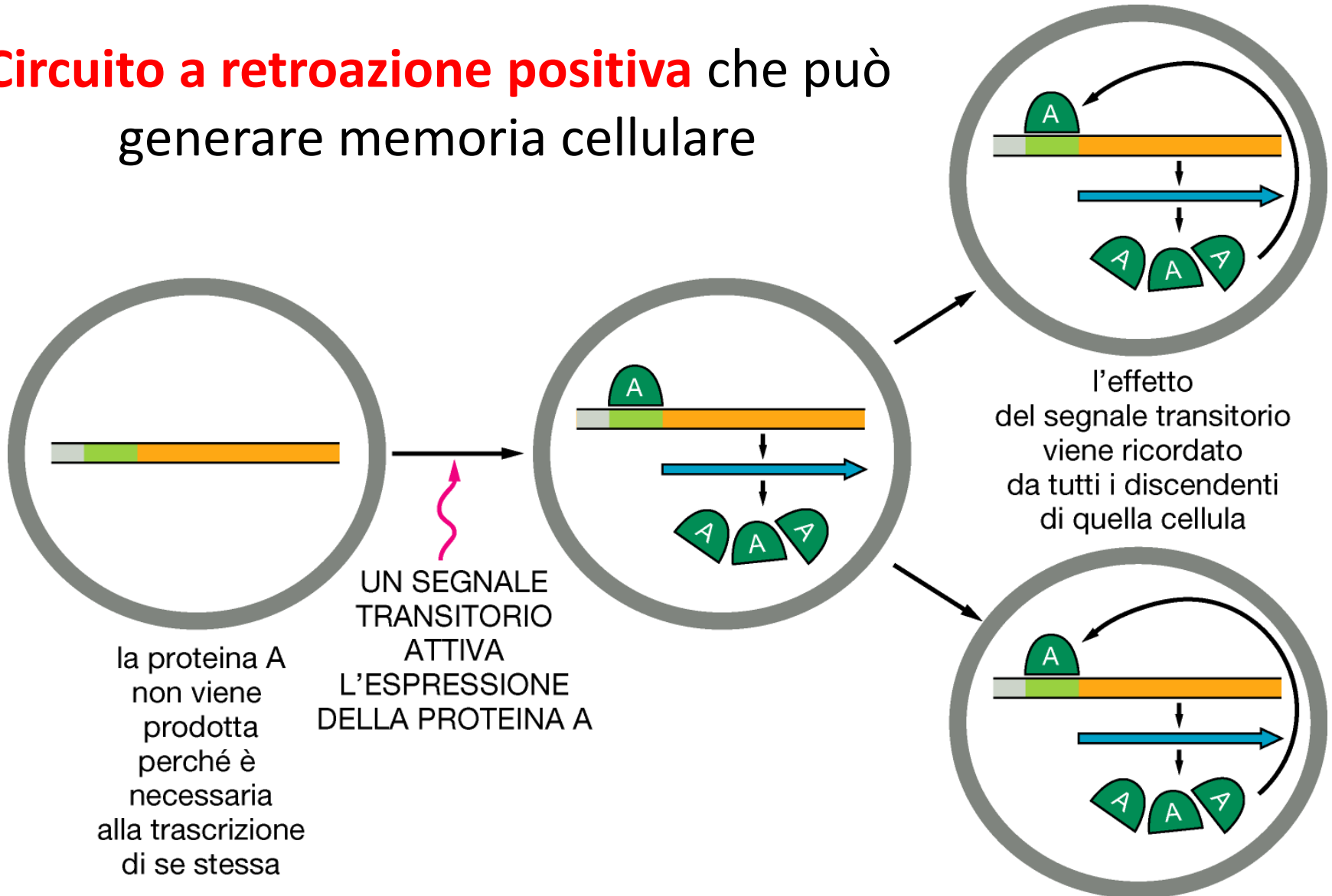
Cortisolo, si libera nell'organismo in caso di digiuno prolungato e di attività fisica intensa, inducendo il fegato a produrre glucosio

L'inizio della trascrizione negli eucarioti deve tener conto del forte impacchettamento del DNA nella **cromatina**. Negli eucarioti gli attivatori e i repressori agiscono sulla struttura cromatinica per "accendere e spegnere" i geni. **Rimodellatori della cromatina e modificatori di istoni**



Le cellule figlie possono ricevere in eredità un quadro di espressione genica già stabilizzato

**Circuito a retroazione positiva** che può generare memoria cellulare

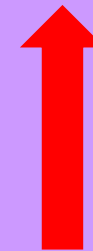


# EPIGENETICA

## L'ESEMPIO DELLA GRANDE CARESTIA OLANDESE

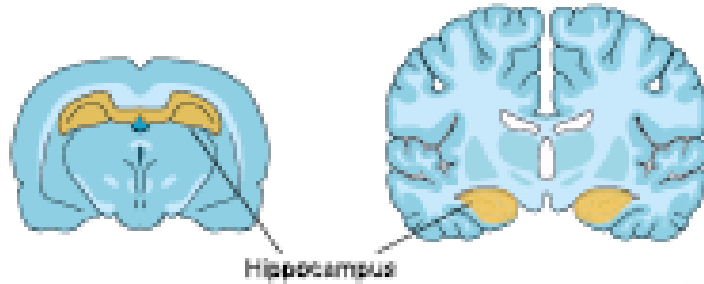
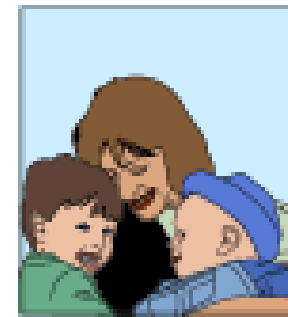
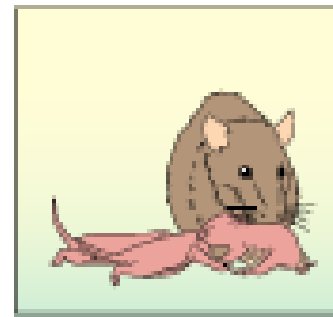
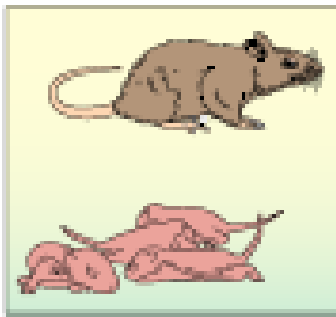


194  
4

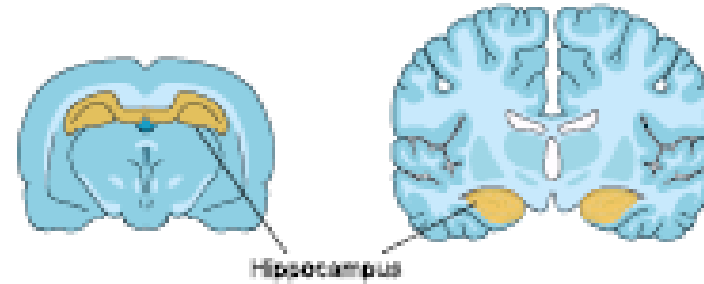


- ❖ Obesità
- ❖ Ipertensione
- ❖ Diabete di tipo II
- ❖ Schizofrenia
- ❖ Depressione

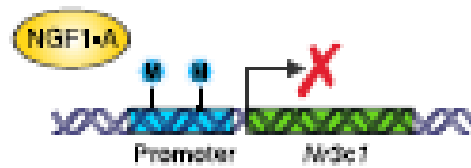
**Effetti riscontrabili già sui feti esposti a carestia materna, e poi trasmessi ai discendenti mediante meccanismi epigenetici**



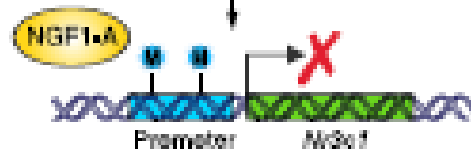
Hippocampus



Hippocampus



Decreased GR expression



Decreased GR expression

Early life

Adulthood



Increased GR expression



Increased GR expression

# Piccoli RNA non codificanti sono coinvolti nella regolazione dell'espressione genica



(a)



(b)



(c)

## Interferenza dell'RNA (RNAi)

RNA a doppio filamento sono in grado di provocare la distruzione selettiva di mRNA aventi la stessa sequenza di quel RNA a doppio filamento

## Piccoli RNA interferenti (small interfering RNA, si RNA)

Le piante e gli animali producono centinaia di piccolissimi RNA, detti **micro RNA (miRNA)**

**miRNA** specifici sono sintetizzati soltanto in determinati momenti dello sviluppo o in determinati tessuti

